
Outils pour l'analyse et la simulation de données RNA-seq

Alyssa Imbert^{*1} and Nathalie Villa-Vialaneix^{†1}

¹INRA, UR875, MIAT (MIAT) – Institut national de la recherche agronomique (INRA) : UR875 –
F-31326 Castanet Tolosan, France

Résumé

Dans cette proposition de communication, nous présentons les packages R qui permettent d'analyser et de simuler des données issues des technologies de séquençage du transcriptome (RNA-seq). Dans un premier temps, nous ferons un tour rapide des packages qui permettent d'effectuer la normalisation et l'analyse différentielle. Puis, nous discuterons des méthodes pour inférer un réseau de gènes à partir de telles données et les packages R associés. Enfin, nous présenterons quels packages permettent de simuler des réseaux et des données transcriptomiques à partir de ces réseaux.

^{*}Intervenant

[†]Auteur correspondant: nathalie.villa@toulouse.inra.fr